

Programme de la Journée de la Plate-forme de Génomique Fonctionnelle de Nice Sophia-Antipolis

Mercredi 26 novembre 2008

Salle de conférences de l'Institut de Pharmacologie Moléculaire et Cellulaire
660, route des Lucioles – Sophia Antipolis- 06560 Valbonne.

9:00-10:30 Session n°1

9:00-10:00: Meyling Cheek, INSERM, Lille. "Pharmacogenomics of childhood ALL "

10:00-10:15: Bruno Cardinaud, ESTBB, Université Bordeaux2. "miRTA : a miRNA tiling array"

10:15-10:30: Maria Wehbe, CIML Luminy. "Mélanomes inductibles chez la souris"

10:30-11:00: **Pause café**

11:00-12:30 Session n°2

11:00-12:00: Michel Werner, CEA, Evry. "Genome-wide studies of the basic mechanisms of transcription and its regulation in yeasts and mice"

12:00-12:15: Rainer Waldmann, IPMC, Sophia Antipolis. "High-Throughput Sequencing as a surrogate for DNA microarrays"

12:15-12:30: Alain Nicolas, Institut Curie, Paris "First SOLiD runs at the Institut Curie"

12:30 – 13:30: **Repas sur place**

13:30-16:00. Session n°3

13:30-13:45: Richard Christen, CNRS, Nice. "Outils pour le séquençage massif"

13:45-14:00: Emil Salageanu & Denis Caromel, INRIA, Sophia Antipolis. "From High-Throughput Sequencing to High-Throughput Informatics"

14:00-14:15: Kévin Le Brigand, IPMC, Sophia Antipolis "Gestion des données avec l'interface Mediante, et développements en cours"

14:15-14:30: Bernard Mari, IPMC, Sophia Antipolis "Recherche des cibles de micro ARN: de la théorie à l'expérience"

14:30-14:45: Paul Hofman, CHU, Nice "MicroRNA signature of thyroid tumors of uncertain malignancy (TTUMP)"

14:45-15:15: Franck Delaunay, CNRS, Nice "Genome wide analysis of the circadian clock-controlled transcriptome"

15:15-16:00: Pascal Barbry Discussion avec l'ensemble des participants sur les outils du transcriptome

Organisé avec le soutien de l'IPMC, et de la plate-forme technologique "Biopuces", mise en place dans l'Académie de Nice par le Ministère de la Recherche et de la Technologie.